

## ANÁLISIS PROTEÓMICO DE LAS PLAQUETAS DE PACIENTES CON TROMBOSIS VENOSA PROFUNDA

MC Flores-Nascimento<sup>1</sup>, K Kleinfelder-Fontanesi<sup>1</sup>, SH Seeholzer<sup>3</sup>, H Ischiropoulos<sup>2,3</sup>, JM Annichino-Bizzacchi<sup>1</sup>

1 Centro de Hematología y Hemoterapia, Universidade Estadual de Campinas, SP, Brasil

2 Departamento de Pediatría, Instituto de Pesquisa del Hospital Infantil de la Filadélfia, Universidade de la Pensilvânia, Filadélfia, PA, EUA

3 Departamento de Farmacología, Instituto de Pesquisa del Hospital Infantil de la Filadélfia, Universidade de la Pensilvânia, Filadélfia, PA, EUA

**PALABRAS CLAVE:** plaquetas, la trombosis venosa profunda

**ANTECEDENTES:** La trombosis venosa profunda (TVP) es una multi-causal enfermedad asociada a una alta morbi-mortalidad debido a complicaciones como la embolia pulmonar y síndrome de pos-flebítica. La incidencia es de 20 a 30%, y 25% de los pacientes presentan recurrencia en 5 años. La identificación de nuevos factores de riesgo es importante en la práctica clínica para prevenir nuevos eventos tromboticos. El papel de las plaquetas en la trombosis venosa profunda no está todavía bien definida. **OBJETIVO:** En este estudio se analizó el perfil de las proteínas de las plaquetas de muestras de tres pacientes con TVP espontánea y se comparan con los resultados obtenidos de un hermano y un vecino de cada paciente a fin de minimizar las interferencias ambientales y genéticas. **METODOLOGÍA:** las plaquetas fueron lavadas, lisadas y las proteínas fueron alquiladas, reducidas, precipitadas con acetona y hidrolizadas por la tripsina. 100 microgramos de péptidos fueron separados por HPLC con hidrofobia, y 8 fracciones se obtuvieron y se dirigió al espectrómetro de masas LTQ-Orbitrap. La busca de proteínas se realizó por el SORCERER-SEQUENT. **RESULTADOS:** Se identificaron cinco proteínas que estaban presentes en los pacientes y ausentes en todos los controles: la proteína vinculante de la apolipoproteína A1, Coatomer ( $\zeta$ 1 sub-unidad), estradiol 11-17- $\beta$  deshidrogenasa, leucotrieno A-4 hidrolasa y sorbitol deshidrogenasa. Western-Blot validó los resultados en otros 25 pacientes de TVP y sus 50 controles sanos. **CONCLUSIONES:** con este estudio, fue posible identificar las proteínas que hasta la fecha no relacionados con la fisiopatología de la trombosis venosa profunda, que podrían estar involucrados con los procesos metabólicos e inflamatorios.